

一、研究团队简介

主要从事药理学、药物基因组学/表观遗传药理学、药物代谢、生物医学工程研究。通过跨组学大数据分析和先进的靶标功能研究,明确冠心病基因组变异、表观遗传变异、肠道菌群和代谢失衡对促进左室重构和死亡风险的协同机制;为防治冠心病左室重构和降低死亡风险提供新的分子预警标志物或潜在的干预靶点;特别研发新型高通量甲基化生物标记物检测技术及基于 CRISP 的快速检测技术;建立高通量药物筛选模型,设计合成用于防治冠心病新的药物分子,为更有效地预防和控制冠心病的发生发展提供新的治疗策略。

现面海内外诚聘博士后人员 1~2 名, 欢迎申请加入本团队!

二、合作导师介绍



钟诗龙, 研究员, 博士生导师

广东省人民医院药学部 主任

I 期药物临床试验研究室 主任、PI

广东省冠心病防治研究重点实验室 副主任

广东省杰出青年医学人才

【主要学术任职】

中国药理学学会表观遗传药理专业委员会 副主任委员

中国药理学学会心血管药理专业委员会 常委兼秘书长

广东省药理学学会治疗药物监测研究专业委员会 主任委员

中国医师协会心血管内科医师分会血栓防治专业委员会 委员

中国老年医学学会老年个体化诊疗分会 常委

中国药理学会临床药理专业委员会 常委

中国药理学会药物基因组学专业委员会 常委

中国药理学会治疗药物监测研究专业委员会 常委

广东省医学会临床药学专业委员会 常委

广东省药学会药事管理专业委员会 副主任委员

广东省药学会临床治疗精准用药专家委员会 副主任委员

广东省药理学会药物代谢专业委员会 副主任委员

广东省医院协会药事管理专业委员会 常委

广东省药理学会 常务理事

【学术成果与转化】

承担国家自然科学基金 5 项、“十三五”精准医学重点研发计划课题 1 项、“十二五”国家科技支撑计划课题任务 1 项、广东省重点领域研发计划“精准医学与干细胞”重大科技专项 1 项等项目。

以第一完成人承担的《冠心病个体化用药关键技术体系的研发与应用》获 2018 年广东省药学会医院药学科学技术奖一等奖和 2019 年中国药学会科学技术奖三等奖。

【发表论文】

以通讯或第一作者在 Nat Commun、Clin Transl Med、CDDis、Cell Biosci、Clin Pharmacol Ther 等杂志发表 SCI 论文 60 余篇；共同发表 Nature、Lancet Oncol 和 J Clin Oncol 文章各 1 篇。

三、课题组主要研究内容

1. 跨组学大数据分析和先进的心血管靶标功能研究；
2. 冠心病左室重构/死亡风险的分子预警标志物及预测模型研究；
3. 防治冠心病新的药物分子的机制探索及设计合成研究。

四、合作导师代表性论著

近三年发表论文如下：

1. A consortium of three-bacteria isolated from human feces inhibits formation of atherosclerotic deposits and lowers lipid levels in a mouse model. 2023 Jun. *iScience*. 2023 May 23;26(6):106960.
2. Restoration of lipid homeostasis between TG and PE by the LXR alpha-ATGL/EPT1 axis ameliorates hepatosteatosis in *Sporobolus*. 2023 Feb. *Cell Death Dis*. 2023 Feb 6;14(2):85.
3. Exploring the causal effects of the gut microbiome on serum lipid levels: a two-sample mendelian randomization analysis. 2023 Feb. *Front Microbiol*. 2023 Feb 16;14:1113334.
4. Cardiac disorder-related adverse events for aryl hydrocarbon receptor agonists: a safety review. 2022 Dec. *Expert Opin Drug Saf*. 2022 Dec;21(12):1505-1510.
5. Tryptophan was metabolized into beneficial metabolites against coronary heart disease or prevented from producing harmful metabolites by the in vitro drug screening model based on *Clostridium sporogenes*. 2022 Nov. *Front. Microbiol*. 2022 November 16, 13:1013973.
6. Plasma metabolomics provides new insights into the relationship between metabolites and outcomes and left ventricular remodeling of coronary artery disease. 2022 Oct. *Cell Biosci*. 2022 Oct 14;12(1):173.
7. *Bacteroides fragilis* supplementation deteriorated metabolic dysfunction, inflammation, and aorta atherosclerosis by inducing gut microbiota dysbiosis in animal model. 2022 May. *Nutrients*.;14(11):2199.
8. DNA methylation mediates the genetic variants on ticagrelor major metabolite elimination and platelet function recovery after ticagrelor discontinuation. 2022 May. *Epigenomics*.;14(10):601-613
9. Tryptophan metabolites as biomarkers for esophageal cancer susceptibility, metastasis, and prognosis. 2022 Feb. *Front Oncol*. 2022 Feb 28;12:800291.
10. Comprehensive metabolic profiling of inflammation indicated key roles of glycerophospholipid and arginine metabolism in a coronary artery disease. 2022 Mar. *Front Immunol*. 13:829425.
11. Downregulation of Cx43 reduces cisplatin-induced acute renal injury by inhibiting ferroptosis. 2021 Dec. *Food Chem Toxicol*. 158:112672.
12. Association of malnutrition, left ventricular ejection fraction category, and mortality in patients undergoing coronary angiography: a cohort with 45,826 patients. 2021 Sep. *Front Nutr*. 2021 Sep 16;8:740746.
13. Using a two-sample mendelian randomization method in assessing the causal relationships between human blood metabolites and heart failure. 2021 Sep. *Front Cardiovasc Med*. 2021 Sep 14;8:695480.
14. Free triiodothyronine connected with metabolic changes in patients with coronary artery disease by interacting with other functional indicators. 2021 Jul. *Front Mol Biosci*. 2021 Jul 30;8:681955.
15. New genetic variants associated with major adverse cardiovascular events in

patients with acute coronary syndromes and treated with clopidogrel and aspirin. 2021 Dec. Pharmacogenomics J.21(6):664-672.

16. Comprehensive metabolomics identified the prominent role of glycerophospholipid metabolism in coronary artery disease progression. 2021 Apr. Front Mol Biosci.8:632950.

17. Associations of mitochondrial variants with lipidomic traits in a Chinese cohort with coronary artery disease. 2021 Mar. Front Genet.12:630359.

18. UGT1A1 rs4148323 A allele is associated with increased 2-hydroxy atorvastatin formation and higher death risk in Chinese patients with coronary artery disease. 2021 Mar. Front Pharmacol. 12:586973.

19. Genome-wide association study of metabolites in patients with coronary artery disease identified novel metabolite quantitative trait loci. 2021 Jan. Clin Transl Med.11(2):e290.

五、博士后招收研究方向及基本要求

1. 研究方向及依托课题

(1) 冠心病药物疗效与毒性个体差异的遗传/表观遗传机制，国家自然科学基金, 82274016, SLC25A33 高甲基化通过抑制糖代谢促进阿托伐他汀所致新发糖尿病的机制；广东省药理学会重点项目，GDYL-XY2022001，贯穿药物基因组学的“中国人群表观遗传数据库”及基于“数据库”的前置审方系统”。

(2) 冠心病易感性及疾病进展的跨组学研究，广州市科技计划项目重点项目，2023B03J1251，三株肠菌联合降脂和抗动脉粥样硬化心脏病的机制及临床评价研究；临床研究，J2A-GH-GZGX，一项在中国肥胖或超重伴体重相关合并症受试者中，评价 LY3502970 的安全性、耐受性、药代动力学和药效学的多次给药剂量滴定研究。

2. 招收要求：

专业背景：药学、生物学、或医学相关专业；人品端正，吃苦耐劳；具备良好的英文阅读和写作能力，以第一作者已发表 SCI 论文。

六、博士后相关待遇

1. 年薪 30 万起（税前，含五险一金）。
2. 另发住房补贴 4000 元/月。
3. 博士后启动经费 5 万元，中期考核合格者追加 3-5 万元科研经费。
4. 根据个人需要，可协助办理个人落户。
5. 鼓励并支持博士后申请各类博士后基金项目 and 人才计划，参加国际学术交流(境外交流项目)，助力青年人才成长和发展。
6. 鼓励并支持博士后独立申报国家、省部级基金以及广东省的各类博士后人才项目。
7. 申请申请获得国自然项目，医院按资助金额 1:1 进行配套。
8. 导师根据博士后工作情况，额外提供科研绩效奖励。

七、博士后岗位职责

1. 按计划完成博士后研究任务；
2. 积极申请国自然基金、中国博士后科学基金及其他各级各类科研项目；
3. 配合科研团队完成其他科研工作。

八、应聘材料

- 1.个人简历（含教育背景、科研背景、研究特长）；
- 2.学历证书、学位证书、获奖证书等复印件；
- 3.两名推荐人（包括博士生导师）的推荐信 2 封；
- 4.博士论文、代表性论文等学术成果证明材料复印件；
- 5.进站后工作设想（3000 字左右）。

九、联系方式

有意向者将应聘材料发送至如下邮箱，邮件主题请注明“博士后应聘”。

E-mail: zhongsl@hotmail.com

联系老师：钟老师

联系电话：020-83827812-60298